# MUTAÇÕES NO POLIMORFISMO DO GENE IL-1B

(+3954 C/T)



Ludovic Nunes¹, Diogo Canário¹, Etienne Bral¹, Tom Blanchard¹
1. Egas Moniz School of Health & Science
UC: Farmacogenética / Turma 1 - MICF

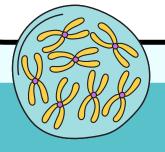


## INTRODUÇÃO

- O gene IL-1B localizado no cromossoma 2q14.1, codifica para a proteína interleucina-1-beta, da família das citoquinas próinflamatórias [1]
- Esta proteina é produzida em resposta aos macrófagos ativados [1]
- A mutação +3954 C/T que ocorre neste gene pode afetar a regulação inflamatória e está associada ao desenvolvimento de doenças inflamatórias autoimunes [2]

#### **OBJETIVO**

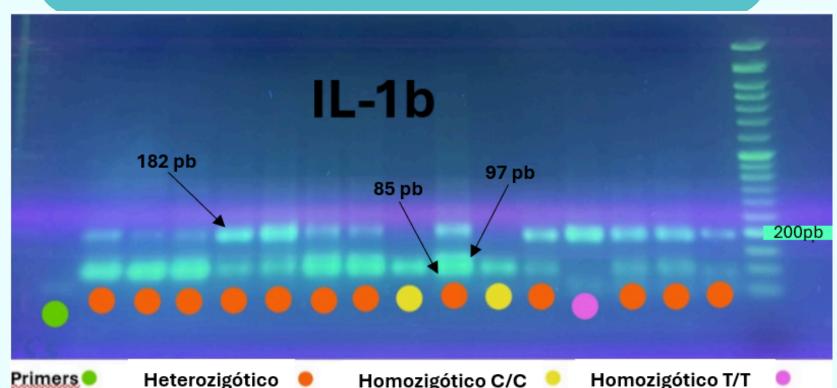
 Identificar a mutação +3954 C/T do gene IL-1B nas amostras de DNA de 16 alunos da turma

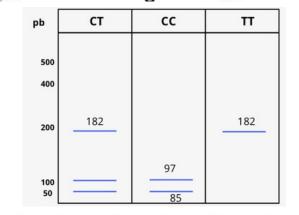


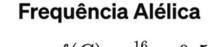
#### **MÉTODOS**

- Extração de DNA de células da mucosa oral com zaragatoa (kit Nucleospin Tissue)
- 2. Amplificação por PCR
- 3. Verificação da existência da mutação em estudo por RFLP através da enzima de restrição Taq I
- 4. Análise eletroforética dos produtos de restrição e caracterização das amostras em gel de agarose 2% com marcador de massas moleculares NZYDNA Ladder VI

#### REULTADOS







$$p=f(C)=rac{16}{30}=0,533$$
  $q=f(T)=rac{14}{30}=0,467$ 

## Frequências Genotípicas Esperadas $F(CC)=p^2=(0.533)^2=0.284$

$$P(CC) = P = (0.333) = 0.234$$

$$F(CT) = 2pq = 2 \times 0.533 \times 0.467 = 0.498$$
  $F(TT) = q^2 = (0.467)^2 = 0.218$ 

Frequências Genotípicas Observadas
$F(CC)=rac{2}{15}=0,13$

$$F(CT) = \frac{12}{15} = 0,80$$

$$F(CT) = \frac{1}{15} = 0,000$$
 $F(TT) = \frac{1}{15} = 0,067$ 

Genotipo	Observado	Esperado
CC	0.13	0.284
CT	0.80	0.498
TT	0.067	0.218

## DISCUSSÃO/CONCLUSÃO

As frequências observadas dos genótipos diferem das frequências esperadas. A população não está em equilíbrio de Hardy-Weinberg, sugerindo a influência de fatores evolutivos como deriva genética, mutações, migração, seleção natural e emparelhamento não aleatório.

A mutação está ligada ao desenvolvimento de doenças inflamatórias autoimunes, como artrite reumatoide, doença de Crohn e colite ulcerosa, devido à sua influência na regulação inflamatória.

No nosso estudo, há 3 alunos com a mutação (são homozigotos), então têm predisposições para essas doenças.